

FIGURE 1A

[illegible]

FIGURE 1B

FIGURE 1C

4/7

49	SYVGC	V	S	A	L	A	C	L	V	T	I	A	A	Y	L	C	S	R	V	P	L	P	C	R	R	K	P	R	D	Y	2763296				
407	TYI	G	C	G	L	S	I	F	L	S	V	T	L	V	T	Y	I	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	1595762					
629	TYI	G	C	G	L	S	I	F	L	S	V	T	L	V	T	Y	I	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	GI 2117161					
49	TIK	V	H	M	N	L	L	A	V	F	L	L	D	T	S	F	L	L	S	E	P	V	A	L	T	G	S	E	A	G	C	R	2763296		
442	PSK	I	L	I	Q	L	C	A	L	L	L	N	L	V	F	L	L	D	S	W	I	A	L	Y	K	M	Q	G	L	C	I	1595762			
658	PSK	I	L	I	Q	L	C	A	L	L	L	N	L	V	F	L	L	D	S	W	I	A	L	Y	K	M	Q	G	L	C	I	GI 2117161			
49	ASA	I	F	L	H	F	S	L	L	T	C	L	S	W	M	G	L	E	G	Y	N	L	Y	R	L	V	V	E	V	F	G	T	Y	2763296	
477	SAV	A	V	F	L	H	Y	F	L	L	V	S	F	T	W	M	G	L	E	A	F	H	M	Y	L	A	L	V	K	V	F	N	T	Y	1595762
693	SAV	A	V	F	L	H	Y	F	L	L	V	S	F	T	W	M	G	L	E	A	F	H	M	Y	L	A	L	V	K	V	F	N	T	Y	GI 2117161
49	VPG	Y	L	L	K	L	S	A	M	G	W	G	F	P	I	F	L	V	T	L	V	A	L	V	D	V	D	N	Y	G	P	I	I	2763296	
512	IRK	Y	I	L	K	F	C	I	V	G	W	G	V	P	A	V	V	T	I	I	L	T	I	S	P	D	N	Y	G	-	-	-	-	1595762	
728	IRK	Y	I	L	K	F	C	I	V	G	W	G	V	P	A	V	V	T	I	I	L	T	I	S	P	D	N	Y	G	-	-	-	-	GI 2117161	
49	LAV	H	R	T	P	E	G	V	I	Y	P	S	M	C	W	I	R	D	S	L	V	S	Y	I	T	N	L	G	L	F	S	L	V	2763296	
547	GSY	G	K	F	P	N	G	S	P	-	D	D	F	C	W	I	N	N	A	V	F	Y	I	T	V	V	G	Y	F	C	V	I	1595762		
761	GSY	G	K	F	P	N	G	S	P	-	D	D	F	C	W	I	N	N	A	V	F	Y	I	T	V	V	G	Y	F	C	V	I	GI 2117161		
49	FLF	N	M	A	M	L	A	T	M	V	V	Q	I	L	R	L	R	P	H	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	2763296		
582	FLF	N	M	A	M	L	A	T	M	V	V	Q	I	L	R	L	R	P	H	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	1595762		
795	FLF	N	M	A	M	L	A	T	M	V	V	Q	I	L	R	L	R	P	H	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	GI 2117161		

FIGURE 1D

[illegible]

FIGURE 1E

1	M	G	V	S	A	L	T	E	L	T	-	-	-	S	L	G	G	-	-	-	D	S	L	S	C	-	-	-	-	3367641		
1	M	G	G	R	V	F	L	A	F	C	V	W	L	T	L	P	G	A	E	T	Q	D	S	R	G	C	A	R	W	C	GI 3342740	
20	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3367641		
31	P	Q	D	S	S	C	V	N	A	T	A	C	R	C	N	P	G	F	S	S	F	S	E	I	T	T	P	D	I	GI 3342740		
25	N	E	C	A	T	P	S	K	V	S	C	G	K	F	S	D	C	W	N	T	E	G	S	Y	D	C	V	C	S	P	3367641	
61	N	E	C	A	T	L	S	K	V	S	C	G	K	F	S	D	C	W	N	T	E	G	S	Y	D	C	V	C	S	P	GI 3342740	
55	G	Y	E	P	V	S	G	A	K	T	F	K	N	E	S	E	N	T	C	Q	Q	G	K	N	H	P	T	S	S	D	F	3367641
91	G	Y	E	P	V	S	G	A	K	T	F	K	N	E	S	E	N	T	C	Q	D	V	D	E	C	Q	Q	N	P	R	GI 3342740	
85	P	S	M	R	F	G	V	T	R	A	I	L	A	A	S	R	E	Q	G	L	G	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3367641	
121	L	C	K	S	Y	G	T	C	V	N	T	L	G	S	Y	T	C	Q	C	L	P	G	F	K	D	V	N	E	C	T	GI 3342740	
106	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3367641		
151	S	G	Q	N	P	C	H	S	S	T	H	C	L	N	N	V	G	S	Y	Q	C	R	C	R	P	G	W	Q	P	I	GI 3342740	

FIGURE 2A

[illegible]